



## Didacticiel de reconstruction d' arbres phylogénétiques

By Chamontin, Annick

Condition: New. Publisher/Verlag: Éditions universitaires européennes | Ballade sur l'ADN et dessin interactif d'arbres, pas à pas, avec l'environnement didactique ISee | L environnement didactique ISee e permet une initiation aux techniques et algorithmes de la bioinformatique, comme la recherche de régions codantes dans les génomes. Dans ce contexte, un nouveau module destiné à expliquer les principes de la reconstruction algorithmique d arbres phylogénétiques a été conçu et développé en Java. Un arbre phylogénétique rend compte de lémergence des espèces au cours du temps et fait ainsi apparaître leur relation de parenté : deux espèces sont d autant plus proches qu elles sont apparues à partir d une espèce ancestrale commune récente. Le nouveau module présente UPGMA, l une des méthodes de reconstruction darbres phylogénétiques à partir de séquences génomiques despèces actuelles. Pour expliquer la méthode de reconstruction, le module affiche la matrice des distances entre les espèces, puis la construction de l arbre, pas à pas, et ce de manière interactive. Le module présente aussi les hypothèses de base sur lesquelles repose la méthode de construction et en démontre les limites, à savoir l hypothèse de l horloge moléculaire et l hypothèse que les séquences sont proches....



## Reviews

This created pdf is fantastic. Indeed, it can be perform, nonetheless an interesting and amazing literature. Its been developed in an remarkably straightforward way and is particularly simply following i finished reading this publication by which in fact altered me, alter the way i really believe.
-- Amanda Hand Jr.

A must buy book if you need to adding benefit. Of course, it is actually perform, still an interesting and amazing literature. I am delighted to explain how this is basically the best book i actually have read through during my individual life and may be he best book for at any time.

-- Jarod Bartoletti